Załącznik nr 1

Opis przedmiotu zamówienia

**Część 1**

* 1. **Przedmiot zamówienia:**

Izolacja RNA z 45 próbek (krew pełna ludzka, probówki PAXgene), z redukcją globin oraz sekwencjonowanie RNA (po wzbogaceniu poliA) przy użyciu sekwenatora Illumina NovaSeq, odczyty typu „paired-end”, długości 150 bp.
Na próbkę ~9 Gb, 30 milionów odczytów („paired-end”), demultipleksowanie.

Bez analizy danych.

* 1. **Ilość próbek: 45**
	2. **Transport:**

Zamawiający dostarczy próbki na własny koszt w ciągu miesiąca od zawarcia umowy. Wykonawca odeśle wyniki badań w formie elektronicznej w ciągu 6-8 tygodni od otrzymania próbek.

* 1. **Wyniki:**

Wyniki zostaną dostarczone w postaci:
Surowych danych w formacie pliku FastQ.
Zestawy danych z sekwenatora Illumina dla każdej próbki, mniejsza ilość odczytów (naturalna zmienność) może dotyczyć nie więcej niż 5% próbek, które przeszły wejściową kontrolę jakości.
Co najmniej 80% par zasad w gwarantowanym zestawie danych musi mieć wskaźnik jakości Q-score≥30.
Wyniki będą zawierać dane wszystkich próbek.
Wyniki będą zawierać szczegółowy raport z projektu.
Wyniki zostaną udostępnione drogą elektroniczną poprzez bezpieczny portal klienta z uwierzytelnianiem dwuetapowym. Dane z portalu należy pobrać w ciągu 6 tygodni od udostępnienia. W przypadku konieczności ponownego umieszczenia danych w portalu po tym okresie zostaną naliczone dodatkowe koszty.
Na życzenie Zamawiającego wyniki mogą zostać dostarczone na zewnętrznym dysku twardym za dodatkową opłatą.

**Warunki płatności:**

Zamawiający zgadza się na przedpłatę w wysokości maksymalnie 60% wartości zamówienia, a płatność pozostałych 40% nastąpi w ciągu 14 dni od otrzymania wyników badań.

**Część 2**

**2.1 Przedmiot zamówienia:**

Izolacja RNA z 45 próbek (ludzkie komórki T CD4+ zawieszone w RNAlater/stayRNA), oraz sekwencjonowanie RNA (po wzbogaceniu poliA) przy użyciu sekwenatora Illumina NovaSeq, odczyty typu „paired-end”, 150 bp.
Na próbkę ~30 Gb, 100 milionów odczytów („paired-end”)**,** demultipleksowanie.

PS. Możliwość przejścia na inny tryb sekwencjonowania w razie niedostatecznej ilości RNA.

Bez analizy danych

**2.2 Ilość próbek: 45**

**2.3 Transport**:

Zamawiający dostarczy próbki na własny koszt w ciągu miesiąca od zawarcia umowy. Wykonawca odeśle wyniki badań w formie elektronicznej w ciągu 6-8 tygodni od otrzymania próbek.

**2.4 Wyniki:**

Wyniki zostaną dostarczone w postaci:
Surowych danych w formacie pliku FastQ.
Zestawy danych z sekwenatora Illumina dla każdej próbki, mniejsza ilość odczytów (naturalna zmienność) może dotyczyć nie więcej niż 5% próbek, które przeszły wejściową kontrolę jakości.
Co najmniej 80% par zasad w gwarantowanym zestawie danych musi mieć wskaźnik jakości Q-score≥30.
Wyniki będą zawierać dane wszystkich próbek.
Wyniki będą zawierać szczegółowy raport z projektu.
Wyniki zostaną udostępnione drogą elektroniczną poprzez bezpieczny portal klienta z uwierzytelnianiem dwuetapowym. Dane z portalu należy pobrać w ciągu 6 tygodni od udostępnienia. W przypadku konieczności ponownego umieszczenia danych w portalu po tym okresie zostaną naliczone dodatkowe koszty.
Na życzenie Zamawiającego wyniki mogą zostać dostarczone na zewnętrznym dysku twardym za dodatkową opłatą.

**Warunki płatności:**

Zamawiający zgadza się na przedpłatę w wysokości maksymalnie 60% wartości zamówienia, a płatność pozostałych 40% nastąpi w ciągu 14 dni od otrzymania wyników badań.